

个人基本情况：（附上一寸电子照片）

姓名： 郑鹏

性别： 男

出生年月： 1984-12-17

民族： 汉

职称职务： 讲师



教育经历：

2011-2014 中国科学院水生生物研究所 遗传学 博士

2011-2014 湖北大学生命科学院 生物化学与分子生物学 硕士

社会兼职：

招收研究生学科及方向：

分子生物学；细胞生物学；遗传学

从事研究的学科专业领域及主要研究方向：

1)通过蛋白质组学技术研究蛋白质之间的相互调控关系；2)深入研究长链非编码 RNA 与 DNA、蛋白质之间的调控机制以及肿瘤转移过程中的作用机理；3) 抗癌药物的筛选以及调控机理。

主要工作经历及业绩：

目前主持的主要科研项目：

国家自然科学基金

武汉科技大学校青年科技骨干培育计划项目

已完成的主要科研项目

1. 中国科学院重点部署项目：非编码 RNA-蛋白相互作用调控病原菌侵入及胞内存活的分子机制研究；
2. 国家自然科学基金：长链非编码 RNA-HOTAIR 的蛋白调控网络的构建及功能研究；
3. 知识创新工程领域前沿项目：蓝藻的乙酰化蛋白质组学研究。

完成的主要论文

1. Zheng P, Ze Yin, Tongcun Zhang, LncRNA HOTAIR promotes cell migration and invasion by regulating MKL1 via inhibition miR206 expression in HeLa cells. Cell Communication and Signaling (2018) 16:5 IF=5.324
2. Zheng P, Xiong Q, Ge F, Long noncoding RNA HOTAIR Promotes Cell Migration and Invasion by Regulating the Intermediate Filament Protein Vimentin. (molecular & cellular proteomics) 2015 IF=7.2

3. Zheng P, Zhong Q, Xiong Q, Yang M, Zhang J, Li C, Bi LJ, Ge F, QUICK identification and SPR validation of signal transducers and activators of transcription 3 (Stat3) interacting proteins. *J Proteomics*. 2012 IF=5.04
4. Zhang J, Chen F, Li W, Xiong Q, Yang M, Zheng P, Li C, Pei J, Ge F. 14-3-3 ζ interacts with stat3 and regulates its constitutive activation in multiple myeloma cells. *PLoS One*. 2012. IF=3.73
5. Xiong Q, Zhong Q, Zhang J, Yang M, Li C, Zheng P, Bi LJ, Ge F, Identification of novel miR-21 target proteins in multiple myeloma cells by quantitative proteomics. *J Proteome Res*. 2012 Apr 6. IF=5.113
6. Hu F, Li X, Lü J, Mao PH, Jin X, Rao B, Zheng P, Zhou YL, Liu SY, Ke T, Ma XD, Ma LX, A visual method for direct selection of high-producing *Pichia pastoris* clones. *BMC Biotechnol*. 2011 Mar 21. IF=2.349

参与编写下列教材、著作：

授权专利

科研获奖

可转化成果

联系方式

通信地址：武汉科技大学黄家湖校区

邮政编码：430052

电 话： 027-68893368

E-mail : pengzh1984@wust.edu.cn